

CLUSTAL W (1.82) multiple sequence alignment

```

H.sapiensGADD34L      MEPGTGGSRKRLGPRAGFRFWPPFFPRRSQAGSSKFTPLGPENSGNPTLLSSAQPETRV 60
H.sapiensGADD34      MAPG-----QAPHQATPWRDAHPFLLSPVMGLLS 30
* **::: . . . . . : : : : : * * . . . . : * *

H.sapiensGADD34L      SYWTKLLSQLLAPLPGLLQKVLIIWSQLFGGMFP---TRWLDFAGVVSALRALKGREKPA 117
H.sapiensGADD34      RAWSLRG--LGPLEPWLVEAVKGAALVEAGLEGEARTPLAIPHTPWGRRPEEEAEDSGG 88
*::* .. ** * : : : : * . . . : * . . . : * . . . : * . . . :

H.sapiensGADD34L      PTAQKLSLQLDSSDPVTSPLDWLEEGIHWOQYSPPLKLELKAKGSALDPAAQAFLLE 177
H.sapiensGADD34      PGEDRETGLKTSLSLPEAWGLLDDDG----MYGEREATSVPRGQGSQFADGQRAPLSP 144
* : : . * : ** * . . * * : . * : . : : ** : . : * *

H.sapiensGADD34L      QQLWGVLELLPSSLQSLRYNRELGSPPGLNIQRIIDNFSVSYLLNPSYLDLCPRLVS 237
H.sapiensGADD34      -----SLLIRTLQSGDKNPGEKAEEGVAEEGVNKFSTYP-----PSHRECCPAVEEE 193
. . . . : ** : ** . * : : . . * : : : : ** : . ** : * * : * .

H.sapiensGADD34L      YQNSDGNSEVVGFTLTPESSCLREDHCHPQLPLSAELIPASWQGCPLPLSTGLPEIHLR 297
H.sapiensGADD34      DDE-----EAVKKEAHRSTSTALS PGSKPSTWVSCP-----GEEENQATE 233
: : : : : . . : : * : . . : . . . . . * : : * . . : : * * : .

H.sapiensGADD34L      MKRLEFLQASKGQDLTPDQDNGYHSLSEEHSLRMDPKHCRDNPQTQFVPAAGDIPGNT 357
H.sapiensGADD34      DKRTERSKGARKTS-----VSPRSSGSDPRSWEYRSGEAS-EE 270
** * : * * . . : : : . . : : : : : * : . : * : : : :

H.sapiensGADD34L      QESTEELIETTTEVPLALEEESPSEGCPSSEIPMEKEPGEGRISVVVDYSYLEGLPIS- 416
H.sapiensGADD34      KEEKAHKETGKEAAPGQSSAPAPQRPQLKSWWCQPSDEEEGEVKALGAAEKDGEAECPP 330
: * . . * . * . . . . . . * . . : * : : : : : : : : : :

H.sapiensGADD34L      ARPACSNKLDYILGASSDLETSSDPEGEDWDEAEDDGFDSLSLSDLEQDPEGLH 476
H.sapiensGADD34      CIPPPSAFLKAWVYPGDETEEEDEDEDEDSDSGSDEEEGEAEASSSTPATGVFLKSWV 390
. * . * * : : . . . * . . : * . . . : : : : * * . : :

H.sapiensGADD34L      LWNFSFSDVPYNPNQFTATIQTAAIRIVPEEPSDSEKDLGKSDLENSSQSGSLPETPEHS 536
H.sapiensGADD34      YQPGEDTEEEDESDTGSAEDEERAETSASTPPASAFKAWVYRPGEDTEEEDEDEDVDS 450
. : : : : * : : : : . . . . : . . . . : . . . . : . :

H.sapiensGADD34L      SGEEDWESSADEAESLWNFCNSDDPNPLNFKAPFQTSGE--NEKGRDSETPSES 594
H.sapiensGADD34      EDKEDDSEALGEAES-DPHPSHPDQRAHFRGWYRPGKETEEEEAEADWGEAEPFPRV 509
. : : ** * : : . . . . * : : . : : : * . * . . * .

H.sapiensGADD34L      IVAISECHTLLSCKVQLLGSQESECPDSVQRDVLSSGRHHTVKKKVTFFLEEVTEYYIS- 653
H.sapiensGADD34      AIYVPGEKPPPWAPPLRLRLQRLKRPETPTDPDPTPLKARKVRFSEKVTVHFLAV 569
: : : . . * : : . . : . . . . * : : * * * * : : : : :

```

H. sapiensGADD34L	-----GDEDRKGPWEEFARDGCRFFQKRIQETEDAIGCYLTFEHRERMFNRLOGTCFKGLNV	709
H. sapiensGADD34	WAGPAQAARQGPWEQLARDRSRFARRITQAQEELSPLTPAARARAWARLRNPPLAIPA	629
	.: *:*****:*** .** **:*** :::: :. *** * * : **::: : : .	
H. sapiensGADD34L	LKQC-----	713
H. sapiensGADD34	LTQTLPSSSVPSPVQTTPLSQAVATPSRSSAAAAAALDLSGRRG	674
	.	